

SPAZIO RICERCA – PREMIO M. CAGIDIACO 2018

Rimini, 15 marzo 2018
XX CONGRESSO NAZIONALE SidP

ANALISI METAGENOMICA DEL BIOFILM PARODONTALE IN PAZIENTI DIABETICI CON PARODONTITE

Rocchi Asya

Centro Interdipartimentale di Ricerca per lo Studio delle Malattie Parodontali e Peri-implantari, Università di Ferrara ~ Ferrara

Scapoli Chiara

Sezione di Biologia Evolutiva, Università di Ferrara ~ Ferrara

Farina Roberto

Centro Interdipartimentale di Ricerca per lo Studio delle Malattie Parodontali e Peri-implantari, Università di Ferrara ~ Ferrara

Severi Mattia

Centro Interdipartimentale di Ricerca per lo Studio delle Malattie Parodontali e Peri-implantari, Università di Ferrara ~ Ferrara

Carrieri Alberto

Sezione di Biologia Evolutiva, Università di Ferrara ~ Ferrara

Benazzo Andrea

Sezione di Biologia Evolutiva, Università di Ferrara ~ Ferrara

Mamolini Elisabetta

Sezione di Biologia Evolutiva, Università di Ferrara ~ Ferrara

Bassi Cristian

Sezione di Patologia e Microbiologia Applicata, Università di Ferrara ~ Ferrara

Callegari Elisa

Sezione di Patologia e Microbiologia Applicata, Università di Ferrara ~ Ferrara

Miotto Elisa

Sezione di Patologia e Microbiologia Applicata, Università di Ferrara ~ Ferrara

Sabbioni Silvia

Sezione di Patologia e Microbiologia Applicata, Università di Ferrara ~ Ferrara

Trombelli Leonardo

Centro Interdipartimentale di Ricerca per lo Studio delle Malattie Parodontali e Peri-implantari, Università di Ferrara ~ Ferrara

Caratterizzare il microbiota subgingivale di pazienti con e senza diabete di tipo 2 (T2D) con diverso stato parodontale.

Dodici soggetti caucasici non-fumatori hanno partecipato allo studio. I soggetti erano considerati diabetici se avevano una storia di T2D per almeno 2 anni e mostravano un controllo metabolico insufficiente (Hb1Ac > 7%). I soggetti sono stati classificati come diabetici con o senza parodontite (T2D+P+ e T2D+P-, rispettivamente) e non diabetici con o senza parodontite (T2D-P+ e T2D-P-, rispettivamente). Ciascun soggetto è stato sottoposto a campionamento della placca subgingivale in 4 siti, ed è stata condotta un'analisi metagenomica.

Il numero di specie conosciute rilevate nel microbioma subgingivale variava tra 108 (gruppo T2D-P+) e 191 (gruppo T2D-P-). Nel gruppo T2D+P-, le copie di DNA per *Streptococcus mutans* e *Wolinella succinogenes* erano significativamente più elevate rispetto al gruppo T2D-P-, mentre le copie per *Leptotrichia* sp. taxon orale erano significativamente più basse. Le copie di DNA di 10 specie differivano significativamente tra i gruppi T2D+P+ e T2D-P+. In particolare, quelle di alcuni periopatogeni erano significativamente più basse nel gruppo T2D+P+.

La composizione del microbiota subgingivale differisce tra i soggetti con e senza T2D scarsamente controllato. Queste differenze sono legate a un numero limitato di specie in condizioni di salute parodontale, mentre sono più marcate (10 specie) in condizioni di parodontite.

Key-words: metagenomica – parodontite - diabete